



Zápis z 2. jednání Meziresortní rady pro genetiku a genomiku uskutečněného na Úřadu vlády dne 10. prosince 2025

Přítomní členové Rady a pracovních skupin:

Mgr. Marek Výborný – ministr zemědělství

prof. MUDr. Vlastimil Válek, CSc., MBA, EBIR – místopředseda vlády a ministr zdravotnictví

Mgr. Jiří Nantl, LL.M – náměstek ministra, emeritní ředitel Středoevropského technologického institutu (CEITEC) Masarykovy univerzity (MU), Ministerstvo školství, mládeže a tělovýchovy

Mgr. David Surý – vrchní ředitel sekce ochrany životního prostředí, MŽP

Prof. RNDr. Šárka Pospíšilová, Ph.D. – zástupkyně ČR v Evropské iniciativě 1+ Milion Evropských Genomů a Genome of Europe a přednostka Ústavu lékařské genetiky a genomiky Lékařské fakulty (LF) MU a Fakultní nemocnice Brno a prorektorka MU

Prof. Ing. Jaroslav Doležel, DrSc., dr. h. c. – vedoucí vědecký pracovník, Ústav experimentální botaniky AV ČR

Ing. Václav Hlaváček, CSc. – viceprezident Agrární komory ČR

Ing. Jitka Götzová – ředitelka odboru bezpečnosti potravin, MZe

RNDr. Martin Bunčec, Ph.D. – ředitel kanceláře Technologické agentury ČR

Prof. RNDr. Jiří Vondrášek, CSc. – ředitel České národní infrastruktury pro biologická data (ELIXIR CZ), ÚOCHB AV ČR

Mgr. Věra Franková, PhD. et PhD. – klinická genetička v oblasti lékařské etiky, 1. LF UK a VFN

RNDr. Roman Hobza, Ph.D. – vědecký pracovník, Aplikační laboratoř pro zemědělské biotechnologie, Biofyzikální ústav AV ČR

Ing. Jan Prášil – ředitel, SEMO a.s., předseda představenstva ČMŠSA

Omluveni:

Mgr. Petr Hladík – ministr životního prostředí, **PhDr. Marek Ženíšek, Ph.D.** – ministr pro vědu, výzkum a inovace, ÚV, **Ing. Alexandra Skopcová** – ředitelka odboru environmentálních rizik a ekologických škod, MŽP

Hosté:

Ing. Josef Horák, Ph.D. – odborný manažer, MU

RNDr. Jan Martinec, CSc. – ředitel, Ústav experimentální botaniky AV ČR

Ing. Hana Bakičová – ředitelka, Odbor koordinace výzkumu, vývoje a inovací, ÚV; (zástup za PhDr. Mareka Ženíška, Ph.D.)

RNDr. Jan Šafář, Ph.D. – vedoucí, Aplikační laboratoř pro zemědělský výzkum, Ústav experimentální botaniky AV ČR

Ing. Miloš Faltus, Ph.D. – vedoucí, Odbor genetiky a šlechtění rostlin, CARC

Ing. Hana Jiráková, Ph.D. – vedoucí, Oddělení geneticky modifikovaných organismů, MŽP (zástup za Ing. Alexandru Skopcovou)

Ing. Alexandra Mižová – referentka, Odbor bezpečnosti potravin, MZe



Jednání vedl: **Mgr. Marek Výborný, ministr zemědělství.**

I. Zahájení

Jednání zahájil **Mgr. Výborný, ministr zemědělství**, který přivítal členy Meziresortní rady pro genetiku a genomiku (dále jen „Rada“), zástupce pracovních skupin (dále jen „PS“) a hosty, poděkoval za spolupráci a připravené podklady, a uvedl, že o zřízení Rady bude informovat svého nástupce, aby se i nadále aktivně pokračovalo v její činnosti.

Slovo následně převzal **prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví**, který přivítal účastníky a uvedl, že i on předává svému nástupci informace o vzniku Rady a mezinárodní spolupráci na úrovni EU v oblasti genetiky a genomiky.

Mgr. Výborný, ministr zemědělství, uvedl, že případné otázky vyplývající z jednání, určené pro EU nebo Evropskou komisi, předloží na jednání Rady ministrů AGRIFISH.

Ing. Jitka Götzová, ředitelka Odboru bezpečnosti potravin MZe, shrnula letošní aktivity Rady a konání několika jednání PS pro genetiku a genomiku rostlin a lékařskou genetiku.

Upozornila, že dnešní zasedání Rady probíhá souběžně s prvním jednáním PS pro hospodářská a zájmová zvířata, proto byli její členové omluveni. PS tvoří odborníci na živočišnou výrobu, zástupci univerzit, výzkumných ústavů a Českomoravské společnosti chovatelů. Na programu jednání PS je představení projektu GenoPhoenix, jeho propojení s genomikou zvířat a nastavení pravidel a jednacího řádu PS. Na příštím zasedání Rady podají členové PS informace o činnosti PS.

II. Prezentace k činnosti pracovních skupin – prof. Šárka Pospíšilová, prof. Jaroslav Doležel

Dalším bodem jednání bylo představení činnosti PS Rady.

Prezentace PS pro lékařskou genetiku, genomiku a bioetiku:

PS pro lékařskou genetiku, genomiku a bioetiku byla představena **prof. Šárkou Pospíšilovou, prorektorkou Masarykovy univerzity**, která shrnula její činnost v uplynulém roce.

Uvedla, že na evropské úrovni se nyní PS zaměřuje především na hledání technických řešení pro správu citlivých genomických dat, která jsou součástí zdravotnických dat a vyžadují zvláštní ochranu.

Aktivity v oblasti genomických dat jsou rozděleny na:

- **Problematiku výzkumných dat**, kde probíhá intenzivní práce na implementaci evropských technických řešení v rámci databáze *European Genome-Phenome Archive (EGA)*,



- **Problematiku zdravotnických dat**, kde byla zahájena intenzivní diskuse se zástupci odborných společností pro lékařskou genetiku a genomiku.

Prof. Pospíšilová dále informovala, že v této souvislosti proběhlo jednání s doc. RNDr. Ladislavem Duškem, Ph.D., ředitelem ÚZISu, o nastavení pravidel ukládání a potenciálním sdílení genomických dat. Zdůraznila, že germinální genom pacienta se obvykle analyzuje jen jednou za život, proto je klíčové zajistit bezpečné sdílení dat mezi zdravotnickými zařízeními, což by mohlo přinést úspory. V budoucnu se plánuje federovaná síť pro sdílení genomických dat pacientů.

Dále uvedla, že PS se pravidelně schází a účastní se setkání České genomické platformy, kde dochází k personálním a tematickým průnikům s činností Rady.

Národní strategie lékařské genetiky a genomiky: Tvorba národní strategie zahrnuje více oblastí: odborné, technické, vzdělávací, právní a etické aspekty, stejně jako zapojení veřejnosti (*citizen science*).

Z odborného hlediska se PS zaměřuje na:

- **Populační genomiku** – budování referenční databáze české populace; dokončen projekt 1000 českých genomů, probíhá sběr dat pro celoevropský projekt Genome of Europe.
 - **Vzácná onemocnění** – diagnostika a léčba, včetně pilotního testování novorozeneckého screeningu 20 onemocnění; plánuje se další rozšíření screeningů.
 - **Onkologii a precizní medicínu** – personalizovaná léčba, výzkum genetických predispozic a analýza genomu pro volbu cílené terapie.
 - **Genomiku mikroorganismů** – detekce patogenů, epidemiologie a sledování antibiotické rezistence ve spolupráci s mikrobiologickými institucemi.
- Genovou a buněčnou terapii** – spolupráce s ČSGBT, jednání se SÚKL a dalšími orgány s cílem efektivně zavádět genové terapie do klinické praxe.

Evropské iniciativy: ČR se od roku 2018 aktivně účastní iniciativy **1+ Million Genomes** jako jeden z prvních signatářů. Podporu poskytují projekty:

- **Beyond 1 Million Genomes (B1MG)** – doporučení pro federovanou síť genomických dat,
- **Genomic Data Infrastructure (GDI)** – financování a infrastruktura pro federované sdílení,
- **Genome of Europe (GoE)** – panevropská referenční databáze genomů,
- **B1MGplus** – příprava vzniku právnické osoby EDIC, probíhají intenzivní jednání.

Jednání národní genomické platformy se účastní zástupci **MŠMT** a **MZ**.

Stav genomických dat a sběr vzorků: Projekt GoE zahrnuje 27 členských států EU. Celosvětově bylo přečteno cca 5 milionů genomů, převážně z Velké Británie a USA; Evropa zatím zaostává. ČR by měla přispět cca **15 000 genomy** (včetně 250 genomů osob ukrajinské menšiny). Pilotní projekt 1000 genomů pokryl území ČR proporčně podle počtu obyvatel v jednotlivých krajích; nyní probíhá sběr 3 000 genomů v rámci první fáze GoE. Byla zřízena odběrová místa, sběr probíhá i na veřejných akcích.



Právní a etické aspekty: **Mgr. Věra Franková, PhD. et PhD., klinická genetička v oblasti lékařské etiky (1. LF UK a VFN)** se věnuje právu a etice v lékařské genetice, např. právu dárce či pacienta na vlastní genomická data.

Zapojení veřejnosti a vzdělávání: PS aktivně podporuje **citizen science**, spolupracuje s patientskými organizacemi (např. ČAVO) a účastní se veřejných akcí, jako je **Mendel Festival** (10 000+ účastníků) nebo prezentace české genetiky na **EXPO Ósaka 2025**.

Na závěr své prezentace **prof. Pospíšilová** uvedla, že v roce 2026 PS plánuje pokračování pravidelných zasedání v rámci Rady a české genomické platformy, práci na národní strategii lékařské genetiky a genomiky a další rozvoj a realizaci zahájených projektových aktivit.

III. Diskuse k prezentaci:

V průběhu prezentace **prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví**, vznesl dotaz ohledně ukládání a objemu genomických dat. **Prof. Pospíšilová** uvedla, že projekt je zatím ve fázi sběru vzorků.

Po prezentaci **prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví** upozornil na vysokou datovou náročnost sekvenovaného genomu a potřebu strategického plánování centrálního úložiště, zejména pro dědičnost vzácných onemocnění a dárcovství, a doporučil vytvoření centrální sítě na úrovni MZ, následně regionálních úložišť, s využitím **NÚKIB** pro ochranu dat zdravotnických dat.

Prof. Pospíšilová uvedla, že problematika je řešena. Výzkumná data se ukládají přes evropskou infrastrukturu ELIXIR a v ČR již existují úložiště citlivých dat na Karlově univerzitě (ve spolupráci s ÚOCHB), na Masarykově univerzitě v Brně a Univerzitě Palackého v Olomouci. Projekt Genomic Data Infrastructure plánuje evropskou síť pro bezpečné sdílení dat. Zdravotnická data budou primárně ukládána v jednotlivých zdravotnických zařízeních a bude diskutována možná další spolupráce s ÚZIS.

Prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví se dotázal na ukládání a objem genomických dat. **Prof. Pospíšilová** odpověděla, že data jsou zatím ve fázi sběru vzorků.

Mgr. Jiří Nantl, LL.M, náměstek ministra emeritní ředitel Středoevropského technologického institutu (CEITEC) MU, MŠMT uvedl, že během svého působení ve funkci ředitele CEITEC prosazoval rovnocenné a propojené vnímání oblastí molekulární biologie, zejména využitím výzkumných infrastruktur, což hodnotil velmi pozitivně.

Prezentace PS pro genetiku a genomiku rostlin:

Dále byly představeny aktivity PS pro genetiku a genomiku rostlin **prof. Ing. Jaroslavem Doleželem, vedoucím vědeckým pracovníkem ÚEB AVČR**, který shrnul její činnost v uplynulém roce.

Prof. Doležel na úvod připomněl závazek Rady scházet se dvakrát ročně a potřebu aktualizovat informace o pokroku v činnosti Rady a jejích PS. Představil organizační strukturu Rady a ocenil sjednocení platformy, metodiky a přístupu v genetice, přičemž zdůraznil, že



principy a metody, zejména sekvenování genomů, jsou společné pro člověka, rostliny i zvířata. Upozornil, že PS pro lékařskou genetiku se zaměřuje na člověka, zatímco PS pro zemědělské plodiny pracuje s různými druhy rostlin, takže pro šlechtění různých plodin není možné aplikovat jednotný metodický přístup.

Dále vysvětlil nutnost mobilizovat oblast šlechtění zemědělských plodin a zejména využití genomických metod, stejně jak je tomu v oblasti lékařské genetiky. Hlavními důvody je potřeba vyvinout novou generaci plodin odolných vůči stresům jako sucho, záplavy či extrémní teploty, tj. negativním dopadům změny klimatu na zemědělskou produkci, která je klíčová pro výživu lidstva. Nové plodiny musí lépe využívat vodu a živiny v půdě a odolávat chorobám a škůdcům, což umožní snížení spotřeby prostředků ochrany rostlin, a tedy zátěže životního prostředí.

Národní strategie šlechtění: Prof. Doležel informoval o dosavadních aktivitách PS, které vedly k formulaci Národní strategie využití molekulárních metod ve šlechtění zemědělských plodin. Setkání s komoditními radami a se zástupci šlechtitelských firem identifikovalo klíčové problémy a připravilo strategii jako výchozí bod pro cíle Rady v oblasti rostlin. Hlavními cíli jsou zvýšení odolnosti a výkonnosti českého zemědělství, podpora výzkumu, inovací a transferu technologií, který dosud brzdila nedostatečná komunikace a spolupráce mezi základním a aplikovaným výzkumem a šlechtitelskými firmami.

Servisní pracoviště: Součástí strategie je vznik tří servisních laboratoří, které podporují české šlechtitelské firmy bez vlastních molekulárně-biologických či genomických kapacit a bioinformatických specialistů.

1. **Aplikační laboratoř pro zemědělský výzkum** vedená **RNDr. Janem Šafářem, Ph.D.**, vedoucím aplikační laboratoře pro zemědělský výzkum, Ústav experimentální botaniky AV ČR
2. **Aplikační laboratoř pro zemědělské biotechnologie** vedená **RNDr. Romanem Hobzou, Ph.D.**, vědeckým pracovníkem, Aplikační laboratoř pro zemědělské biotechnologie, Biofyzikální ústav AV ČR

Laboratoř pro šlechtění a pre-breeding, zahrnující šlechtitelský materiál, vedená **Ing. Milošem Faltusem, Ph.D.**, vedoucím Odboru genetiky a šlechtění rostlin, CARC. Laboratoře jsou postupně integrovány do šlechtitelských programů a spolupracují s pěstitelskými svazy a komoditními radami, které určují potřeby jednotlivých plodin a poskytují zpětnou vazbu. Strategie pokrývá všechny fáze šlechtění, včetně přípravy nových materiálů pro šlechtění (pre-breeding).

Prof. Doležel zdůraznil, že potenciál šlechtění je zásadně limitován dostupnou genetickou variabilitou pěstovaných plodin. Požadované vlastnosti lze klasickými šlechtitelskými postupy získat pouze přenosem existujících vloh z jiných odrůd téhož druhu nebo z jejich planých příbuzných. V případě, že požadované genetické vlastnosti v dostupném genofondu neexistují, není možné těmito postupy vyšlechtit odrůdy s novými znaky.

V posledních desetiletích byly vypracovány techniky genetických modifikací (GMO), omezeně podporované veřejností a legislativou. Nově se zejména využívají nové genomické techniky (NGT) založené na využití metody CRISPR/Cas, které umožňují cílené modifikace genomu bez vnášení cizorodé dědičné informace.



Prof. Doležel podtrhl, že PS a servisní laboratoře jsou připraveny tyto metody aplikovat. Laboratoře mají kapacitu pro sekvenování, bioinformatickou analýzu a vývoj DNA markerů. S ohledem na očekávané změny v evropské legislativě jsou tyto laboratoře připraveny využívat NGT a již byl získáno povolení k experimentálnímu polnímu pěstování plodin s editovaným genomem. Na Ústavu experimentální botaniky v Olomouci je vyčleněn pozemek 1 800 m² pro jarní výsev dvou geneticky upravených odrůd ječmene.

Prof. Doležel také informoval, že na základě dohody o osmi projektech začíná spolupráce se šlechtiteli na praktickém využití molekulárních metod ve šlechtění vybraných plodin. V těchto projektech uvedené servisní laboratoře poskytují technickou podporu, sekvenační a bioinformatické metody a identifikaci genetických markerů, čímž se urychlí šlechtění a ČR udrží krok se světovou úrovní, kde tyto metody využívají např. USA, Kanada, Indie, Brazílie či Argentina.

Na závěr **prof. Doležel** poznamenal, že servisní laboratoře AVČR se rovněž podílejí na programu strategie AV21 Akademie věd, podporující popularizaci a vzdělávání šlechtitelů. Jsou připraveni aplikovat moderní molekulární a genomické metody a vstoupit do nové éry zemědělských technologií.

III. Diskuse k prezentaci:

V rámci diskuse se **prof. RNDr. Jiří Vondrášek, CSc., ředitel České národní infrastruktury pro biologická data (ELIXIR CZ), ÚOCHB AV ČR**, dotázal, zda šlechtitelé dokáží formulovat své požadavky na molekulárně-genetické úrovni, nebo zda problém spočívá spíše v nedostatku informací o tom, jak genomickými metodami požadované vlastnosti získat.

Prof. Doležel vysvětlil, že šlechtitelé mají jasnou představu o požadovaných vlastnostech, např. odolnost vůči chorobám a škůdcům či určité kvalitativní znaky. U nových vlastností, včetně vyššího obsahu vitamínů nebo lepšího složení mastných kyselin, by klasické šlechtění bylo časově velmi náročné. Spolupráce se servisními laboratořemi umožňuje rychle identifikovat genomické oblasti zodpovědné za tyto vlastnosti a pomocí genotypování vybrat rostliny s výhodnými kombinacemi genů. Postup využívá moderní genomické metody, například genome-wide association mapping nebo genomickou selekci, kdy se analyzuje celý genom a určují kombinace genů poskytující požadované vlastnosti.

Ing. Jan Prášil, ředitel SEMO a.s., předseda představenstva ČMŠSA, zdůraznil potřebu umožnit menším firmám přístup k technologiím a podporovat jejich efektivní využívání. Poukázal, že světový vývoj šlechtění se výrazně zrychluje, zatímco ustálení vlastností nových materiálů klasickými postupy trvá mnoho let. U rostlin zařazených do kategorie NGT1 budou povoleny genetické změny, které by mohly vzniknout přirozeně nebo prostřednictvím konvenčního šlechtění, a to v rámci daného druhu nebo křížitelných (planých) příbuzných druhů. Genetická diverzita tak poskytuje široké spektrum genů podmiňujících agronomicky významných vlastností, které lze tímto způsobem cíleně využít.



Mgr. Výborný, ministr zemědělství, se dotázal na zapojení Národního centra zemědělského a potravinářského výzkumu (CARC), které podle seznamu členů pracovních týmů figuruje hlavně prostřednictvím laboratorních kapacit a pre-breeding aktivit, ale není výrazně zastoupeno přímo v týmech, přestože má rozsáhlou genovou banku a další kapacity.

Prof. Doležel odpověděl, že CARC je do spolupráce plně zapojeno. Seznam týmů uvádí jen zástupce odpovědné za konkrétní programy a neomezuje spolupráci s dalšími institucemi. Genová banka CARC je klíčovým nástrojem pro využití genetických zdrojů a přenos požadovaných vlastností do kulturních plodin.

Následně vystoupil **Ing. Miloš Faltus, Ph.D., vedoucí Odboru genetiky a šlechtění rostlin, CARC**, který potvrdil, že spolupráce s CARC již probíhá. Zdůraznil, že propojení genomiky a pre-breedingu je zásadní, protože šlechtitelský proces je úzce spjat s genetickou variabilitou. Pre-breeding umožňuje znovu využít genetické vlastnosti ztracené v minulosti v průběhu domestikace a šlechtění, přičemž klíčovou roli hraje genová banka. Současný tržní sortiment plodin omezuje variabilitu, která je však stále dostupná prostřednictvím genetických zdrojů. Kombinace genomiky a pre-breedingu je proto nezbytná.

Ing. Faltus dále uvedl, že pre-breeding je časově náročný, mimo jiné kvůli možnému přenosu nežádoucích vlastností, které lze cíleně eliminovat novými genomickými technikami. Závěrem konstatoval, že dostupné nástroje umožňují komplexní a efektivní přístup k modernímu šlechtění plodin.

Prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví, ocenil dosavadní spolupráci a upozornil, že bez společného postupu napříč Evropou – v oblasti zdravotnictví i šlechtitelství – hrozí, že jednotlivé země budou postupovat samostatně, což může vést k neúspěchu.

RNDr. Martin Bunčeka, Ph.D., ředitel kanceláře Technologické agentury ČR, se zajímal o stav evropské legislativy k NGT a oficiální pozici ČR, včetně možnosti využití testovací a experimentální infrastruktury základního výzkumu.

Mgr. Výborný, ministr zemědělství, uvedl, že dříve se na evropské úrovni nedařilo dosáhnout většiny pro legislativní postup, ale aktuálně se situace vyvíjí směrem k nadějněmu závěru.

Ing. Jitka Götzová, ředitelka odboru bezpečnosti potravin MZe, doplnila, že proběhl poslední dialog a byla dosažena dohoda o celkovém znění návrhu nařízení o NGT. Sporné otázky se týkají patentů a šlechtitelské výjimky a Komise je navrhuje řešit v navazujícím legislativním dokumentu. **Ing. Götzová** vyjádřila spokojenost s výsledkem a uvedla, že finální text bude sdílen, jakmile bude k dispozici. Připomněla, že ČR dlouhodobě podporuje NGT a vnímá tuto technologii jako perspektivní a klíčovou pro konkurenceschopnost českého i evropského zemědělství, zejména s ohledem na omezení účinných látek v přípravcích na ochranu rostlin a pomalý vstup nových šetrnějších látek na trh. Budoucnost vidí především ve šlechtění a využití nových technologií.

Ing. Jan Prášil, ředitel SEMO a.s., ČMŠSA, upozornil, že i přes očekávané úspěšné dokončení návrhu je proces stále na počátku, a zdůraznil nutnost pokračovat v práci, aby po schválení návrhu bylo možné plynule navázat dalšími kroky. **Prof. RNDr. Jiří Vondrášek, CSc., ředitel ELIXIR CZ**, vznesl dotaz na způsob zajišťování dat jednotlivými PS v rámci Rady a upozornil, že strategická hodnota dat se liší – např. pěstitelská data jsou velmi citlivá a jejich



ochrana se odlišuje od dat v oblasti lidského zdraví, proto se zajímal o datovou politiku Rady či vlády.

Prof. Doležel vysvětlil, že u rostlin jsou sekvenční data zatím omezená – první genom každého druhu (např. jabloň či třešeň) se běžně publikuje, další údaje již závisí na dohodě mezi šlechtitelem a institucí a bez souhlasu obou stran nelze data zveřejnit. Financování projektů určuje způsob nakládání s daty: veřejné projekty často vyžadují publikování výsledků formou „Open Acces“, soukromé projekty pak podle smluvní dohody.

Prof. Pospíšilová doplnila, že datové infrastruktury propojují lidskou, rostlinnou i živočišnou genetiku a nabízejí možnost širší mezioborové spolupráce.

Prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví, navrhl pozvat evropské poslance na jednání Rady nebo vyslat skupinu Rady do Evropského parlamentu, aby představila cíle a význam Rady a získala širší podporu napříč politickým spektrem, nikoli jen od Komise.

IV. Pokračující diskuse:

Prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví, upozornil, že problematika genetiky a genomiky lidí, rostlin a zvířat je tříoborová a zkušenosti se mezi obory nepřenášely. Chyběl tlak vědecké obce a zanikla tradiční praxe výběru dárců spermií a vajíček při oplodnění. Do legislativy by chtěl prosadit automatickou sekvenaci DNA u dárců vajíček a spermií vzhledem k rostoucímu výskytu vrozených onemocnění a nutnosti znát jejich genetiku.

Mgr. Věra Franková, PhD. et PhD., klinická genetička v oblasti lékařské etiky (1. LF UK a VFN), upozornila na etické problémy, zejména ochranu soukromí a důvěrnost údajů. Podle ní by o sekvenování dárců bylo možné uvažovat jen tehdy, pokud by bylo nezbytné, ideálně prostřednictvím existujících registrů dárců. Prekoncepční vyšetření některých genetických onemocnění se již provádí, celogenomová sekvenace však může narušit právo dárců na soukromí.

Prof. Pospíšilová doplnila, že projekt Genome of Europe umožňuje pilotní výzkumnou spolupráci s reprodukčními centry, v rámci které se dárci mohou dobrovolně zapojit do kohorty sekvenovaných jedinců, což může poskytnout relevantní informace o jejich genetických predispozicích. Celoevropské projekty pak mohou odhalit zvýšenou frekvenci některých patogenních onemocnění v české populaci ve srovnání s dalšími evropskými populacemi.

V. Závěry jednání:

Ing. Jitka Götzová, ředitelka odboru bezpečnosti potravin MZe, shrnula úkoly Rady pro rok 2025 a navrhla doplnění usnesení. Rada již splnila několik úkolů, včetně ustavení sekretariátu, schválení mandátu a vypracování tezí pro strategické dokumenty v obou PS. Materiál zatím není kompletní, proto usnesení zahrnuje pokračování přípravy, včetně zacházení s daty a jejich ochranou. Po jmenování nové vlády bude aktualizováno složení Rady a případně doplnění noví členové. Vzhledem k opožděnému schvalování rozpočtu na rok 2026 je možné, činnost servisních laboratoří bude podpořena již v roce 2026 a je třeba urychleně připravit návrh na požadovanou dotaci. Požadavky pro rok 2027 budou definovány během



roku 2026 a předloženy nové vládě. Doporučila další setkání začátkem února příštího roku k formulaci finančních požadavků a dokončení materiálu do konce prvního pololetí 2026. Veškeré zápisy a materiály jsou dostupné na webu MZe.

Na závěr jednání **Mgr. Výborný, ministr zemědělství**, poděkoval za účast a debatu, vyjádřil podporu Radě z pozice poslance a člena zemědělského výboru a nabídnul propojení s Evropským parlamentem.

Prof. Válek, místopředseda vlády a ministr zdravotnictví, poděkoval za jednání a ocenil jeho výsledky, plánuje téma zmínit na zdravotnickém výboru budoucímu ministrovi.

Ing. Václav Hlaváček, CSc., viceprezident Agrární komory ČR, poděkoval ministrům a členům Rady za její vznik, fungování a přijaté usnesení, vyzdvihl práci Ing. Jitky Götzové a zdůraznil nutnost pokračovat v osvětě a propojení témat.

V Praze dne 18. prosince 2025

Zapsala: Ing. Alexandra Mižová

Schválila: Ing. Jitka Götzová (sekretariát Rady)